

コード No. 28131

**Anti-Rat  
Niban (53) Rabbit IgG Affinity Purify**

容量 : 100 µg

はじめに	: Niban は、腎癌の発がん初期から発現の亢進がみられる新規遺伝子として、遺伝性腎癌のモデルラットである Eker ラット由来の腎癌細胞株より AFLP-Differential Display 法によってクローニングされました (文献 6)。その後、甲状腺癌など様々ながん組織において Niban タンパク質の発現が報告されています。近年の研究では、Niban は小胞体ストレス誘導タンパク質であり、eIF2 $\alpha$ , S6K1/4E-BP1 のリン酸化を調節していると報告されています (文献 3)。	
免疫抗原	: Rat Niban の部分合成ペプチド (TDLLPKLKGKKNDRKRA)	
精製方法	: 抗原ペプチドによる特異精製	
包装形態	: 1 % BSA, 0.05 % NaN <sub>3</sub> 含有 PBS 1.0 mL に溶解したものを凍結乾燥	
再生方法	: 精製水 1.0 mL 添加(この時濃度は 100 µg/mL となります)	
保存方法及び 安定性	: 2 ~ 8 °C 保存 : 溶解後 -20 °C 保存	5 年間安定 2 年間安定
使用目的及び 使用方法	: 免疫組織染色 (ホルマリン、パラフィン切片 : マイクロウエーブ処理 (10 mM クエン酸緩衝液, pH 6.0、10 分間)を推奨) 約 1 µg/mL にて使用可能 : ウエスタン・ブロッティング 約 5 µg/mL にて使用可能	
参考文献	<ol style="list-style-type: none"><li>1. Ji H, Ding Z, Hawke D, Xing D, Jiang BH, Mills GB, Lu Z. AKT-dependent phosphorylation of Niban regulates nucleophosmin- and MDM2-mediated p53 stability and cell apoptosis. EMBO Rep. 2012 Jun 1;13(6):554-60.</li><li>2. Ito S, Fujii H, Matsumoto T, Abe M, Ikeda K, Hino O. Frequent expression of Niban in head and neck squamous cell carcinoma and squamous dysplasia. Head Neck. 2010 Jan;32(1):96-103.</li><li>3. Sun GD, Kobayashi T, Abe M, Tada N, Adachi H, Shiota A, Totsuka Y, Hino O. The endoplasmic reticulum stress-inducible protein Niban regulates eIF2<math>\alpha</math> and S6K1/4E-BP1 phosphorylation. Biochem Biophys Res Commun. 2007 Aug 17;360(1):181-7.</li><li>4. Matsumoto F, Fujii H, Abe M, Kajino K, Kobayashi T, Matsumoto T, Ikeda K, Hino O. A novel tumor marker, Niban, is expressed in subsets of thyroid tumors and Hashimoto's thyroiditis. Hum Pathol. 2006 Dec;37(12):1592-600.</li><li>5. Adachi H, Majima S, Kon S, Kobayashi T, Kajino K, Mitani H, Hirayama Y, Shiina H, Igawa M, Hino O. Niban gene is commonly expressed in the renal tumors: a new candidate marker for renal carcinogenesis. Oncogene. 2004 Apr 22;23(19):3495-500.</li><li>6. Majima S, Kajino K, Fukuda T, Otsuka F, Hino O. A novel gene "Niban" upregulated in renal carcinogenesis: cloning by the cDNA-amplified fragment length polymorphism approach. Jpn J Cancer Res. 2000 Sep;91(9):869-74.</li></ol>	